

Lecznica:	2587 Gabinet Weterynaryjny os. Wichrowe Wzgórze paw. 104 Poznań, tel. 061 823 29 51 (m)		
Lek. kier:	Kostencka	Ewa	
Nr zlecenia:	07725297		Data przyjęcia materiału: 24-11-2014
Właściciel:	Biernacka Izabela		Data wyniku: 29-11-2014
Zwierzę:	Pies, rasy Wyżeł Weimarski, Udra Imperium Star		Identyfikator: 985170000946980
Wiek:	3 lata 8 miesięcy		

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8124 Długość włosa (pies)

wynik badania nr: 1411-W-36212

Badanie PCR w kierunku długości sierści (sierść krótka / sierść długa)

Wynik: genotyp L/L (sierść krótka w układzie homozygotycznym)

Interpretacja:

Badany pies nie posiada genu determinującego długą sierść. Pies jest osobnikiem krótkowłosym i nie przekaże swojemu potomstwu materiału genetycznego odpowiedzialnego za długą sierść.

Przedmiotem analizy była mutacja znana i opisana na dzień dzisiejszy. Nie można wykluczyć istnienia innych mutacji decydujących o długości sierści.

Wynik odnosi się wyłącznie do materiału diagnostycznego nadesłanego do laboratorium.

Księga rodowodowa nr: ---
Numer chip: 985170000946980
Tatuaż: ---

Uwaga

Zmieniliśmy nomenklaturę dotyczącą badania genetycznego na długość włosa, dostosowując ją do międzynarodowych standardów:

Genotyp LL jest zgodny z genotypem KK starej nomenklatury
Genotyp Ll jest zgodny z genotypem KL starej nomenklatury
Genotyp ll jest zgodny z genotypem LL starej nomenklatury

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO 17025 (D-PL-13186-01) do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.